

>Upstream ATG start codon sequence ATCG00270 | chrC:29711-32710
FORWARD LENGTH=3000

GAAAAAAGAAAAATCAAATAAAAAGATAAATGAAACCATTTTCATCCCCTTGCTCGGAAACAAAAAGGGGAGTTG
ATGTATTGAATCCGCCGGGACTGACGGGGCTCGAACCCGCAGCTTCCGCCTTGACAGGGCGGTGCTCTGACCAAT
TGAAC TACAATCCCATGGAAATAAAGCGGGTAGCTTACATATTCCTTCTTATGATTTCATTTAATCATTTCAAT
TTTAAATTCAAATTTTTGTTTTGTAAACAAAGAAAGTCACAAGTGATATATTGATATCTATATGGATATCACTTTA
GTGAGAGCAAGACGGATTACTGGGTAATCCTTACATTATTATCAAATCAATTGATAATCTATTTTTTACAAAAAA
ATAGATTATTTTTATCGACTCTGTTTCAATTAAGTTTCTCTTTAAAGGATCCATATCGGAATCCTTAGCAAGATCAA
GATCGGAATTTTTTATGGAAAAAAAAGTAACTAAACATAAGAAATAAAGAAAAAAGTAAAGTCGAACATATACCC
TATACCCTGAAATTTGACCTTTTTTTCTTACCCCTTCTCTGTCAATTTATGCAAAAAAAAAAAAAATGGTTATGTAG
ACAGCTAATTATTGGGCCGAGCTGGATTTGAACCAGCGTAGACATATTGCCAACGAATTTACAGTCCGTCCCCAT
TAACCGCTCGGGCATCGACCCAGGAAGAATCTATTCTAACTTTATGGATAATCCATGATCAACTTCCTTTCTGTAG
TACCCTACCCCCAGGGGAAGTCGAATCCCCGCTGCCTCCTTGAAAGAGAGATGTCCTGAACCACTAGACGATGGG
GGCATACTTGCTCAACCGCCATCATACTATGATCATAGTATGATCAGTTTTTTTTAAATTGTCAATATAATGAAAT
GAAATGGTATGACTAGCTTATAAGGTTTTTTCTTTTTTCTATAGAATTCTATATCATTTTTTTTTTACATTTGTA
TTCATATTCTAATCATAATTCTATAACAAATAAATATACTTTCTTTTTTATATTTGAAGTGAAATATTAATAA
AAAAATAAATAAAAAAAAATCTAAAAATCGTCTAGTACGGAATCTTTTCAAGAAGTGATTGGTCTAACATAAAAA
AAAAAAGAAAAAAGAGGGTTAAGTTTCGTTTTTTTTTACTTTCCTTGATAGATTGCCTCATCTCATTTGTAA
GAAATAGTAGTATCCCTGTCTAACACTAATCCAAGAAAGTCAGCCAGAATCCATCTTCTAATTAGGGAAAAAGGT
GGATTTATAAGTTAAGTTATCAAAAATTTGCTTTTTTTTTTTTTTAGAAAAATTATTGTTTCAGAGGATAATCCGTAT
CTCTTCATCACATGTCAAGATAAAATATCTTGGGTGTATGTCAACTTGCTGAGTACATGTATAAATCAAAATTAAT
TTCGTTTCGATGCGCTAGGCTATTAAAAAAAATTCATTGCATGGATATTTATCAAAATCCAATATTAAGCAAA
AAAATACCCCGTTAAGTAAATTTGAAGTCAATTCAAATTCTCATTCTAGTTCCCAATGAGCTACTAACCCTA
TGCCTCTATTGTATATATATTTAATATATATATATATATAGATTTTATTTACTACCGGCTCAGTCAGGAATTA
CCAAGACGGCCCTTTTAACCTCAGTGGTAGAGTAACGCCATGGTAAGGCGTAAGTCATCGGTTCAAATCCGATAAG
GGGCTTTTACGTTCTTTACTTTCTAATAGTCAAAATTTCAATTTGAAAGTCTATAATTTAATTTCAAATTTTGTTA
ATTTTCATTCTAATAAATTTTCATTCTAATAATATAATAAATAAATAAAGTTAGCGAGTAATTTAAAAAATAAAA
ATGAACATTTGTATATTATAATACAATTACAATGAATAATGATAAGTCGTCTCTTGAATCGCCAAATATATATTC
TTTTTTTTTTCGATTTTTTCGATAGATTAGAAATCGACAAATCCAAAAGAAAAAGTAAAGTGGACCTAACCCATCGAA
TCATGACTATATCCACTATTCTGATATTCAAATTCGATAGAGATTAAATTGAAACAGTAGATTTTTTTTTTATTCA
TATTTTTGTATTAGGAAATCCGTGATATCTCTTATTGAATCTTCTTGTTTCTATATATTTCATAGGAAATATAT
TGCCTTCTGCTAGAGAAAGAGAGTATTTTTGCAAAGTAATAACTAAAAGGGCGTTTCAATATTTTTTTTGATT
CGAGAACATAACAAGATCCTACATTCTCTTTGTATTAGAATCAATTTGTATTAAAAATAAACAAAAATCGAATC
ATAATCATGGCTTCAGATATCAATTAAATATTTCCATATTGATGCATCCGAGATGACAATGTAATGTGATCGAAG
GTGTATGTGAGAAAGAACTCTCATTTACAGTTTCCTATAATTTTATTTAAATATTGAATTAAATATAAATAAGA
AATTTTCCCCTTTTTTGACAGATACATAAGGGCATGTACATATAGATATCAAAGAAAATAGAAAAAATATTA
AGTTCCCTTTTTGCTTCAACCCGTCAACTAAAAAAGGGTATAAAAGGAAAAATAACAATAGTTGATACTATAGTA
TTAATAGACAAGTATTTAATACACGCAAAAAAGAAAAAAGTTCTTTATTCTTTATCTGAATAATGAGTCA
TCCGACAATTCATGATTTAGATTCAACTACTTATACTTATTAATAAACTAATAGCAAGGAAGAAACAAATGAGT
TGATCCGTTTACCTAAGTAAGGACCAATAAAATCAAAAATTTTGATCTTCGAAACCAATTAATGAAATTTCTAAG
GGTTCATTTTATGGGGCAGTGCAGGAGAAATTAAATCATAAACAAATGATAGAATTTGAGCGCCCTGAAATGC
CATAATATATAACATCAAATCTATAACATTAAGGTGTTTCGAAATGGTTGAAGTAGATGAATAGGAGGATCGCT

AAG box

-35 -10 conserved motifs
15bp

S6 Fig. Upstream regulatory region of the chloroplast *psbD* gene (ATCG00270).